
scRNAseq analysis: practical case & interpretation through a Shiny Application

Fanny Mollandin*¹

¹Dpt GMM INSA Toulouse – INSA Toulouse – France

Résumé

Présentation d'un cas pratique d'analyses statistiques de données scRNAseq, via l'utilisation de plusieurs méthodes de clustering, ainsi qu'une application Shiny permettant de faciliter l'exploration des clusters obtenus ainsi que leurs gènes marqueurs.

*Intervenant